

**Т. В. Лаврова, У. А. Украинская, Т. Х. Самигуллин, Е. И. Терентьева.** Разграничение двух китайско-гималайских видов *Ligusticopsis* (Apiaceae — Apioideae) по результатам морфологического и молекулярного анализа

**T. V. Lavrova, U. A. Ukrainskaja, T. H. Samigullin, E. I. Terentjeva.** Distinction of two Chinese-Himalayan species of *Ligusticopsis* (Apiaceae — Apioideae) based on morphological and molecular analysis

<https://doi.org/10.31111/novitates/2025.56.10>

---

## Дополнительные материалы | Supplementary materials

### Приложение 1 | Appendix 1

Консенсусное дерево, полученное по результатам анализа последовательностей участка ITS1–5.8S–ITS2 ядерной рДНК с помощью программы MrBayes версии 3.2.6 на основании 25 000 000 деревьев с использованием модели GTR+G. Числа обозначают поддержку узлов (апостериорная вероятность / значения бутстрепа). Приведены только значения бутстрепа > 50 и значения апостериорной вероятности > 0.70. Для всех таксонов указаны идентификационные номера из базы данных GenBank. Впервые представленные образцы выделены **полужирным курсивом**.

Consensus tree obtained from the analysis of the ITS1–5.8S–ITS2 region of nuclear rDNA using MrBayes version 3.2.6 on 25 000 000 trees using the GTR+G model. Numbers indicate node support (posterior probability / bootstrap values). Only bootstrap values > 50 and posterior values > 0.70 are shown. All taxa are provided with identification numbers from the GenBank database. The samples presented for the first time are highlighted in **bold italics**.

